

**Mapa mental didático
de resumos - artigos
disponíveis em
Acesso Aberto (ARCA
– Comunidade ICC)**

2017-2021 (Fungos)



Destakes:



- ✓ A similaridade de enzimas ativas por carboidratos e degradantes de proteínas, associada à ocorrência de fatores de virulência, sugeriu uma tolerância geral a condições extremas, o que pode explicar a tendência oportunista das espécies Fonsecaea.
- ✓ Nos fungos, as moléculas de RNA presentes nas Vesículas Extracelulares são diversas e participam da comunicação entre o hospedeiro e patógenos.
- ✓ Nossos resultados gerais podem indicar que as diferenças na virulência entre os isolados de fungos podem estar relacionadas ao seu conteúdo distinto de RNA na Vesícula Extracelular.
- ✓ Nossos dados sugerem que proteínas relacionadas à Hsp70 podem desempenhar um papel fundamental em Vesículas Extracelulares Fúngicas, independentemente do estado patogênico.
- ✓ A sequência do genoma de Fonsecaea multimorphosa - CBS 980.96T, será importante para uma melhor compreensão dos mecanismos básicos de adaptação a ambientes hostis, patogenicidade e virulência deste organismo.

- ✓ A presença de alcalóides e micotoxinas em Vesículas Extracelulares fitotóxicas abre novos caminhos para a investigação da secreção de fungos e sua relação com a origem de doenças nas plantas.



1-Acesse os artigos na íntegra – Arca

 <http://www.icc.fiocruz.br/bibliotecavirtualicc/>

✉ biblioteca.icc@fiocruz.br

Biblioteca
ICC